

OFERTA DE CONTRATO: Ref 1702/10

AREA DE INVESTIGACION: "ENFERMEDADES RARAS Y DE BASE GENETICA"

Proyecto de Investigación: IDENTIFICACIÓN DE LA CAUSA GENÉTICO-MOLECULAR EN PACIENTES CON FENOTIPOS CLÍNICOS, BIOQUÍMICOS Y MOLECULARES DE ENFERMEDAD MITOCONDRIAL DEL SISTEMA DE FOSFORILACIÓN OXIDATIVA (OXPHOS).

Investigador Responsable: Dr. Miguel Ángel Martín Casanueva

Entidad financiadora: Entidad privada

REQUISITOS

Titulación académica

Licenciado/Grado en Ciencias (Química, Bioquímica, Biología, Farmacia)

Formación específica

Master en Bioinformática o Certificado de haber realizado los estudios de Master en Bioinformática

Facultativo Especialista en Análisis Clínicos/Bioquímica Clínica

MERITOS

Formación específica

Cursos o Masters relacionados con genética humana y con bioinformática aplicada a NGS.

Experiencia laboral

- Manejo de muestras biológicas humanas, uso de bases de datos o sistemas informáticos que impliquen el uso de datos de pacientes.
- Manejo de técnicas y metodologías de bancada relacionadas con genética molecular y genómica humana: secuenciación Sanger, basadas en PCR o sondas de hibridación fluorescentes (LongRange PCR, RT-PCR, HRM, MLPA) y muy especialmente utilización de métodos de secuenciación de nueva generación (NGS).
- Experiencia en estudios bioquímicos, celulares y genético-moleculares en pacientes enfermedades raras, especialmente relacionadas con patología mitocondrial, miopatías genéticas de base metabólica y enfermedades metabólicas hereditarias

Publicaciones y/o comunicaciones a congresos:

Se valorarán comunicaciones y publicaciones relacionadas aspectos genéticos y mutacionales de patología mitocondrial, miopatías genéticas o enfermedades metabólicas hereditarias

Informática

Utilización de programas de predicción mutacional, y de bases de datos genómicas y de evolución aplicadas a NGS, entornos Linux, desarrollo de software en producción: Python, y R.

Conocimiento de bases de datos y visualizados genómicos (UCSC Genome Browser, Ensembl, IGV).

Idiomas, Ingles (nivel mínimo First Certificate)

FUNCIONES

Establecer y mantener una base datos de las muestras de pacientes

Realizar los métodos de bancada de laboratorio relacionados con el proyecto

Mantener, actualizar y gestionar la WorkStation Local de Genómica del grupo de Investigación

Proponer "pipelines" de análisis "in bench" y bioinformático de muestras de los pacientes del estudio en relación a los estudios que impliquen NGS como paneles genéticos y análisis de exoma

Estudio bioinformático exhaustivo de las muestras del proyecto

Se valorará la adecuación del perfil del candidato a las funciones a desarrollar en el proyecto de investigación.

DURACION Un año

DOCUMENTACION

1. Currículum Vitae, adaptado a los requisitos y méritos de la convocatoria

2. Fotocopia DNI. 3. Fotocopia de titulación requerida.

ENTREGA Envío de la documentación al siguiente correo electrónico: rrhh@h12o.es

Plazo de presentación de solicitudes: Hasta el día 21 de Febrero de 2017

NOTA LOPD

Le informamos que sus datos serán incorporados a un fichero titularidad de la Fundación para la Investigación Biomédica del Hospital Universitario 12 de Octubre para gestión del personal de la Fundación durante el proceso selectivo de esta convocatoria. Una vez finalizado el proceso de selección se eliminarán todos los datos aportados a nuestro fichero de gestión de personal.

Sus datos no serán comunicados a terceros. En cualquier momento podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, cancelación y oposición, sin coste alguno. Para ello, podrá dirigirse a la Fundación para la Investigación Biomédica del Hospital Universitario 12 de Octubre sito en Avda. de Córdoba, s/n, Centro de Actividades Ambulatorias, 6ª planta – Bloque D, 28041, Madrid.