

OFERTA DE CONTRATO: Ref 2203/15

AREA DE INVESTIGACION: CANCER

Proyecto de Investigación: PROGRAMA DE INVESTIGACIÓN EN ONCOLOGÍA CLÍNICA Y TRASLACIONAL

Investigador Responsable: Dr. Luis Paz-Ares Rodríguez

Entidad financiadora: Entidad Privada

Área 2. Grupo III - Grado (Art. 15)

Son los profesionales que prestan servicios científico-técnicos a la comunidad investigadora a través de plataformas o servicios de apoyo a la investigación o directamente en los grupos de investigación. Ejercen su función bajo una supervisión directa del investigador solicitante y las funciones a desarrollar serán:

- Asesoramiento en el diseño del método de secuenciación y análisis acorde a las necesidades del proyecto.
- Diseño de herramientas bioinformáticas y computacionales para el análisis de paneles de genes con secuenciación NGS.
- Secuenciación a nivel molecular de las muestras biológicas obtenidas para evaluar las alteraciones moleculares y determinación de carga mutacional de diferentes cohortes de pacientes con cáncer de pulmón.
- Secuenciación del material genético codificante de las muestras biológicas obtenidas para generar perfiles de respuesta a diferentes tratamientos.
- Desarrollo de herramientas preclínicas para testar nuevas estrategias terapéuticas e identificar nuevos biomarcadores predictivos de respuesta.
- Análisis de datos, preparación de presentación de resultados y escritura de artículos

REQUERIMIENTOS

Titulación académica

Grado en Ciencias de la Salud (Farmacia, Medicina, Biología, Bioquímica o semejante), con conocimientos en bioinformática / biología computacional

Experiencia Previa

Experiencia profesional como mínimo de 2 años

Investigación computacional aplicada al cáncer

Gestión de proyectos y asesoramiento de análisis bioinformáticos.

Experiencia en el diseño, desarrollo e implementación de pipelines de análisis de datos ómicos y en su posterior interpretación en el ámbito clínico y traslacional.

Experiencia en el uso de entornos unix y de su interfaz de línea de comandos y de al menos uno de los siguientes lenguajes de programación: R (preferible), python.

Uso de algún software de control de versiones y reproducibilidad: R Markdown, git, conda, docker, nextflow...

Experiencia en Next Generation Sequencing (NGS). Secuenciación a nivel molecular (alteraciones moleculares y determinación de carga mutacional) y transcriptómico (expresión génica). Experiencia con las plataformas de Illumina y ThermoFisher.

Experiencia en el almacenamiento y gestión de grandes volúmenes de datos.

Uso de distintas herramientas bioinformáticas.

Preparación de datos y de graficas de visualización de los mismos, para preparación de manuscritos y presentaciones a congresos.

Idioma

Nivel de inglés B2 o superior

DURACIÓN 6 Meses

DOCUMENTACION Y ENTREGA

Currículum Vitae (en español) adaptado a los requisitos de la oferta, fotocopia DNI, fotocopia de titulación.

Envío de la documentación a rrhh@h12o.es indicando de manera expresa el número de referencia de la oferta.

PLAZO Hasta el 22 de marzo de 2022

El resultado de esta de oferta se publicará en el tablón de anuncios del I+12

NOTA LOPD REGLAMENTO UE 2016/679 Y LEY ORGÁNICA 3/2018 DE 5 DE DICIEMBRE DE PROTECCIÓN DE DATOS

Le informamos que sus datos serán incorporados a un fichero titularidad de la Fundación para la Investigación Biomédica del Hospital Universitario 12 de Octubre para gestión del personal de la Fundación durante el proceso selectivo de esta convocatoria. Una vez finalizado el proceso de selección se eliminarán todos los datos aportados a nuestro fichero de gestión de personal.

Sus datos no serán comunicados a terceros. En cualquier momento podrá ejercer sus derechos de acceso, rectificación, cancelación y oposición, sin coste alguno. Para ello, podrá dirigirse a la Fundación para la Investigación Biomédica del Hospital Universitario 12 de Octubre sito en Avda. de Córdoba, s/n, Centro de Actividades Ambulatorias, 6ª planta – Bloque D, 28041, Madrid.